

Dr. Öğr. Üyesi İDİL YET

Kişisel Bilgiler

E-posta: idil.yet@hacettepe.edu.tr

Web: <https://avesis.hacettepe.edu.tr/idil.yet>

Uluslararası Araştırmacı ID'leri

ScholarID: N-721ZUAAAAJ

ORCID: 0000-0002-1227-0716

Publons / Web Of Science ResearcherID: H-8848-2017

Yoksis Araştırmacı ID: 191974

Eğitim Bilgileri

Doktora, University of London-Kings College London, Faculty Of Life Sciences & Medicine, Division Of Genetics & Molecular Medicine/ Department Of Twin Research And Genetic Epidemiology, İngiltere 2011 - 2016

Yüksek Lisans, Orta Doğu Teknik Üniversitesi, Enformatik Enstitüsü, Sağlık Bilişimi/Tıp Bilişimi, Türkiye 2007 - 2011

Lisans, Başkent Üniversitesi, Fen Edebiyat Fakültesi, İstatistik Ve Bilgisayar Bilimleri, Türkiye 2003 - 2007

Yabancı Diller

İngilizce, C1 İleri

Yaptığı Tezler

Doktora, INTEGRATED EPIGENOMICS AND METABOLOMICS ANALYSIS IN TWINS, University Of London-Kings College London, Department Of Twin Research And Genetic Epidemiology, Bioinformatics, 2016

Yüksek Lisans, BIVARIATE RANDOM EFFECTS AND HIERARCHICAL META-ANALYSIS OF SUMMARY RECEIVER OPERATING CHARACTERISTIC CURVE ON FINE NEEDLE ASPIRATION CYTOLOGY, Orta Doğu Teknik Üniversitesi, Enformatik Enstitüsü, Sağlık Bilişimi/Tıp Bilişimi, 2011

Araştırma Alanları

Tıp, Sağlık Bilimleri, Temel Tıp Bilimleri, Biyoistatistik ve Tıp Bilişimi, Yaşam Bilimleri, Biyoinformatik, Temel Bilimler

Akademik Unvanlar / Görevler

Dr. Öğr. Üyesi, Hacettepe Üniversitesi, Sağlık Bilimleri Enstitüsü, Biyoinformatik A.B.D., 2017 - Devam Ediyor

Diğer, Orta Doğu Teknik Üniversitesi, Fen Edebiyat Fakültesi, Biyolojik Bilimler Bölümü, 2015 - 2017

Araştırma Görevlisi, University of London-Kings College London, 2011 - 2015

Araştırma Görevlisi, Başkent Üniversitesi, Fen-Edebiyat Fakültesi, İstatistik Ve Bilgisayar Bilimleri Bölümü, 2010 - 2011

Araştırma Görevlisi, Orta Doğu Teknik Üniversitesi, Enformatik Enstitüsü, Sağlık Bilişimi Anabilim Dalı, 2009 - 2010

Yönetilen Tezler

Yet İ., Kılınc G. M., Kompleks hastalıklarla ilişkili genetik varyasyonun zaman - serisi genom dizileme verilerinde popülasyon genetiği yaklaşımları ile incelenmesi, Yüksek Lisans, İ.Taç(Öğrenci), Devam Ediyor

Yet İ., Bayesian networks for omics data analysis in hepatocellular carcinoma single-cell sequencing Hepatosellüler karsinomun tekil hücre diziliminde omiklerin veri analizi için Bayes ağları, Yüksek Lisans, M.ZAHİD(Öğrenci), 2021

SCI, SSCI ve AHCI İndekslerine Giren Dergilerde Yayınlanan Makaleler

- I. **A comparative urinary proteomic and metabolomic analysis between renal aa amyloidosis and membranous nephropathy with clinicopathologic correlations**
ÖZBEK D. A., Koc S. C., Kucuk N. E. O., Kablan S. E., YET İ., ÜNER M., Ozlu N., NEMUTLU E., LAY İ., Ayhan A. S., et al.
Journal of Proteomics, cilt.293, 2024 (SCI-Expanded)
- II. **Comparing the melissopalynological and next generation sequencing (NGS) methods for the determining of botanical origin of honey**
ÖZKÖK A., AKEL BİLGİÇ H., Kosukcu C., Arık G., Canlı D., YET İ., KARAASLAN İ. Ç.
Food Control, cilt.148, 2023 (SCI-Expanded)
- III. **Plasma Proteomic Analysis Reveals the Potential Role of Lectin and Alternative Complement Pathways in IgA Vasculitis Pathogenesis**
Demir S., YET İ., ŞARDAN EKİZ M., Sag E., BİLGİNER Y., ÇELİKBIÇAK Ö., LAY İ., ÖZEN S.
Diagnostics, cilt.13, sa.10, 2023 (SCI-Expanded)
- IV. **Multimomics Integration at Single-Cell Resolution Using Bayesian Networks: A Case Study in Hepatocellular Carcinoma**
Jihad M., YET İ.
Omics : a journal of integrative biology, cilt.27, sa.1, ss.24-33, 2023 (SCI-Expanded)
- V. **Somatic copy number variant load in neurons of healthy controls and Alzheimer's disease patients**
Turan Z. G., Richter V., Bochmann J., Parvizi P., Yapar E., Işıldak U., Waterholter S., Leclere-Turbant S., SON Ç. D., Duyckaerts C., et al.
Acta Neuropathologica Communications, cilt.10, sa.1, 2022 (SCI-Expanded)
- VI. **Genomic and phenotypic insights from an atlas of genetic effects on DNA methylation**
Min J. L., Hemani G., Hannon E., Dekkers K. F., Castillo-Fernandez J., Luijk R., Carnero-Montoro E., Lawson D. J., Burrows K., Suderman M., et al.
NATURE GENETICS, cilt.53, sa.9, ss.1311-1336, 2021 (SCI-Expanded)
- VII. **Genome-wide association studies identify 137 genetic loci for DNA methylation biomarkers of aging**
McCartney D. L., Min J. L., Richmond R. C., Lu A. T., Sobczyk M. K., Davies G., Broer L., Guo X., Jeong A., Jung J., et al.
GENOME BIOLOGY, cilt.22, sa.1, 2021 (SCI-Expanded)
- VIII. **Metabolomics reveals a link between homocysteine and lipid metabolism and leukocyte telomere length: the ENGAGE consortium**
van der Spek A., Broer L., Draisma H. H. M., Pool R., Albrecht E., Beekman M., Mangino M., Raag M., Nyholt D. R., Dharuri H. K., et al.
SCIENTIFIC REPORTS, cilt.9, 2019 (SCI-Expanded)
- IX. **Smoking induces coordinated DNA methylation and gene expression changes in adipose tissue with consequences for metabolic health**
Tsai P., Glastonbury C. A., Eliot M. N., Bollepalli S., YET İ., Castillo-Fernandez J. E., Carnero-Montoro E., Hardiman T., Martin T. C., Vickers A., et al.
CLINICAL EPIGENETICS, cilt.10, 2018 (SCI-Expanded)
- X. **GWAS of epigenetic aging rates in blood reveals a critical role for TERT**
Lu A. T., Xue L., Salfati E. L., Chen B. H., Ferrucci L., Levy D., Joehanes R., Murabito J. M., Kiel D. P., Tsai P., et al.
NATURE COMMUNICATIONS, cilt.9, 2018 (SCI-Expanded)
- XI. **Genetic Variation at 16q24.2 Is Associated With Small Vessel Stroke**
Traylor M., Malik R., Nalls M. A., Cotlarciuc I., Radmanesh F., Thorleifsson G., Hanscombe K. B., Langefeld C.,

Saleheen D., Rost N. S., et al.

ANNALS OF NEUROLOGY, cilt.81, sa.3, ss.383-394, 2017 (SCI-Expanded)

- XII. **Heritable components of the human fecal microbiome are associated with visceral fat**
BEAUMONT M., Goodrich J. K., JACKSON M. A., Yet I., Davenport E. R., VIEIRA-SILVA S., DEBELIUS J., PALLISTER T., MANGINO M., RAES J., et al.
GENOME BIOLOGY, cilt.17, 2016 (SCI-Expanded)
- XIII. **Genetic Influences on Metabolite Levels: A Comparison across Metabolomic Platforms**
Yet I., Menni C., SHIN S., Mangino M., SORANZO N., ADAMSKI J., SUHRE K., Spector T. D., Kastenmueller G., Bell J. T.
PLOS ONE, cilt.11, sa.4, 2016 (SCI-Expanded)
- XIV. **A Metabolome-Wide Association Study of Kidney Function and Disease in the General Population**
SEKULA P., GOEK O., Quaye L., Barrios C., LEVEY A. S., ROEMISCH-MARG W., Menni C., Yet I., GIEGER C., INKER L. A., et al.
JOURNAL OF THE AMERICAN SOCIETY OF NEPHROLOGY, cilt.27, sa.4, ss.1175-1188, 2016 (SCI-Expanded)
- XV. **Genetic and environmental impacts on DNA methylation levels in twins**
Yet I., Tsai P., Castillo-Fernandez J. E., Carnero-Montoro E., Bell J. T.
EPIGENOMICS, cilt.8, sa.1, ss.105-117, 2016 (SCI-Expanded)
- XVI. **Genome-wide association study identifies novel genetic variants contributing to variation in blood metabolite levels**
Draisma H. H. M., Pool R., KOBL M., Jansen R., PETERSEN A., VAARHORST A. A. M., Yet I., HALLER T., DEMIRKAN A., ESKO T., et al.
NATURE COMMUNICATIONS, cilt.6, 2015 (SCI-Expanded)
- XVII. **coMET: visualisation of regional epigenome-wide association scan results and DNA co-methylation patterns**
MARTIN T. C., YET I., TSAI P., BELL J. T.
BMC BIOINFORMATICS, cilt.16, 2015 (SCI-Expanded)
- XVIII. **An integrated epigenomic analysis for type 2 diabetes susceptibility loci in monozygotic twins**
Yuan W., XIA Y., Bell C. G., Yet I., Ferreira T., Ward K. J., GAO F., LOOMIS A. K., HYDE C. L., WU H., et al.
NATURE COMMUNICATIONS, cilt.5, 2014 (SCI-Expanded)
- XIX. **Long term conservation of human metabolic phenotypes and link to heritability**
YOUSRI N. A., KASTENMUELLER G., GIEGER C., SHIN S., Erte I., Menni C., PETERS A., MEISINGER C., MOHNEY R. P., ILLIG T., et al.
METABOLOMICS, cilt.10, sa.5, ss.1005-1017, 2014 (SCI-Expanded)
- XX. **Glycosylation of Immunoglobulin G: Role of Genetic and Epigenetic Influences**
Menni C., KESER T., Mangino M., Bell J. T., Erte I., Akmacic I., Vuckovic F., Bakovic M. P., GORNİK O., McCarthy M. I., et al.
PLOS ONE, cilt.8, sa.12, 2013 (SCI-Expanded)
- XXI. **Biomarkers for Type 2 Diabetes and Impaired Fasting Glucose Using a Nontargeted Metabolomics Approach**
Menni C., FAUMAN E., Erte I., Perry J. R. B., KASTENMUELLER G., SHIN S., PETERSEN A., HYDE C., Psatha M., Ward K. J., et al.
DIABETES, cilt.62, sa.12, ss.4270-4276, 2013 (SCI-Expanded)
- XXII. **Metabolomic markers reveal novel pathways of ageing and early development in human populations**
Menni C., KASTENMUELLER G., PETERSEN A. K., Bell J. T., Psatha M., Tsai P., GIEGER C., SCHULZ H., Erte I., JOHN S., et al.
INTERNATIONAL JOURNAL OF EPIDEMIOLOGY, cilt.42, sa.4, ss.1111-1119, 2013 (SCI-Expanded)

Hakemli Kongre / Sempozyum Bildiri Kitaplarında Yer Alan Yayınlar

- I. **A PILOT PROTEOMIC ANALYSIS OF PLASMA BIOMARKERS IN IGA VASCULITIS**
DEMİR S., Sardan M., YET İ., SAĞ E., BİLGİNER Y., ÇELİKBIÇAK Ö., ÖZEN S.

Desteklenen Projeler

Kılınç G. M., Kirdök E., Erdal Y. S., Özer F., Yet I., TÜBİTAK Projesi, Konak-Patojen İlişkinde Antik Holobiyomlarla Bakış: Dış Çürümesi ile İlişkili Genetik Yapının ve İnsan Ağız Mikrobiyotasının Temporal Değişiminin ve Etkileşiminin Antik DNA ile Araştırılması, 2023 - 2026

Yet I., Altuner E. M., Polat C., Şardan Ekiz M., Kılınç G. M., TÜBİTAK Projesi, Çoklu-Omik Yaklaşımlar Kullanılarak Bazı Antibiyotiklerin Çoklu İlaç Direnci Gösteren Ve Aktif Efflux (Dışa Atım) Pompalarına Sahip Escherichia Coli Suşlarına Etkisinin İncelenmesi, 2023 - 2025

ÇELİKBIÇAK Ö., YET İ., GENÇAY ÇELEMLİ Ö., ŞARDAN EKİZ M., ÖZEL S., TÜBİTAK Projesi, Türkiye'deki Başlıca Monofloral Bal Çeşitlerinin Proteomik ve Metabolomik Yaklaşımı ile İncelenmesi, 2022 - 2025

Çelikbiçak Ö., Yet İ., Gençay Çelemlı Ö., Şardan Ekiz M., TÜBİTAK Projesi, Türkiye'deki Başlıca Monofloral Bal Çeşitlerinin Proteomik ve Metabolomik Yaklaşımı İle İncelenmesi, 2022 - 2025

YET İ., Karadavut D., Yükseköğretim Kurumları Destekli Proje, Anadoludaki Nadir Otoinflatuar Hastalıklar ile İlişkili Mutasyonlar İçin Alel Yaşının Hesaplanması, 2023 - 2024

ÇELİKBIÇAK Ö., ŞARDAN EKİZ M., YET İ., GENÇAY ÇELEMLİ Ö., Yükseköğretim Kurumları Destekli Proje, Türkiyedeki Başlıca Monofloral Bal Çeşitlerinin Proteomik ve Metabolomik Yaklaşımı İle İncelenmesi TÜBİTAK 1001 221Z059 numaralı Ek Bütçe Desteği), 2022 - 2024

YET İ., KILINÇ G. M., Taç İ., Yükseköğretim Kurumları Destekli Proje, Kompleks hastalıklarla ilişkili genetik varyasyonun zamanseri genom dizileme verilerinde popülasyon genetiği yaklaşımları ile incelenmesi, 2022 - 2024

ÇELİKBIÇAK Ö., GENÇAY ÇELEMLİ Ö., ÖZEL S., YET İ., ŞARDAN EKİZ M., Yükseköğretim Kurumları Destekli Proje, Türkiyedeki Bazı Monofloral Balların ve Bal Üzerinde Arı Irkı Etkilerinin GCMS Temelli Metabolomik ve Foodomik Yaklaşım ile İncelenmesi, 2021 - 2024

Yet I., Diğer Resmi Kurumlarca Desteklenen Proje, Bayes ağlarını kullanarak karaciğer kanserinin tekil hücrelerinin omikler arasındaki ilişkisinin belirlenmesi, 2020 - 2021

Metrikler

Yayın: 23

Atıf (WoS): 1149

Atıf (Scopus): 1748

H-İndeks (WoS): 13

H-İndeks (Scopus): 16

Burslar

Full King's College London Doktora Bursu, Özel Kurum ve Organizasyonlar, 2011 - 2015

Ödüller

Yet İ., L'Oréal Türkiye'nin UNESCO iş birliğiyle verilen Bilim Kadınları İçin 2020 ödülü (FWIS 2020), L'Oréal Türkiye'nin Unesco İş Birliğiyle Verilen Bilim Kadınları İçin 2020 Ödülü (Fwis 2020), Eylül 2020

Akademi Dışı Deneyim

re-consult