

Dr.Öğr.Üyesi GÜLŞAH MERVE KILINÇ

Kişisel Bilgiler

İş Telefonu: [+90 312 305 3038](tel:+903123053038)

E-posta: gulsahkilinc@hacettepe.edu.tr

Web: <https://www.gulsahmervekilinc.com>

Uluslararası Araştırmacı ID'leri

ScholarID: [KfnfM0kAAAAJ&hl=en&oi=ao](https://scholar.google.com/citations?hl=en&oi=ao&user=KfnfM0kAAAAJ)

ORCID: [0000-0002-2024-3910](https://orcid.org/0000-0002-2024-3910)

Publons / Web Of Science ResearcherID: [AAE-3516-2019](https://publons.com/author/AAE-3516-2019)

ScopusID: [57191633087](https://scopus.com/authid/detail.uri?authorid=57191633087)

Yoksis Araştırmacı ID: [311294](https://yoksis.org.tr/yoksis/arastrmaci/311294)

Biyografi

Gülşah Merve Kılınç 2010 yılında Hacettepe Üniversitesi Biyoloji Bölümü'nde lisans eğitimini tamamladı. Ardından 2010-2014 yılları arasında İhsan Doğramacı Bilkent Üniversitesi'nde Moleküler Biyoloji ve Genetik alanında doktorasını tamamladı. Doktora araştırmaları süresince biyoinformatik yaklaşımlarla hastalıkların genetik nedenlerini anlamak ve sağlıklı insanlarda görülen de novo mutasyonlar üzerine araştırmalar yaptı. Doktora sonrasında Orta Doğu Teknik Üniversitesi, Uppsala Üniversitesi ve Stockholm Üniversitesi olmak üzere Türkiye ve İsveç'te arkeogenomik ve insan popülasyon genetiği üzerine doktora sonrası araştırmalarını yaptı. Araştırmaları, Paleolitik dönemden günümüze insan topluluklarının genetik yapılarını ve hastalıklarının anlamak üzerine odaklanmıştır. Dr. Gülşah Merve Kılınç'ın yayınları *Science Advances*, *Current Biology* and *Plos Biology* gibi prestijli dergilerde yayınlanmıştır.

Eğitim Bilgileri

Doktora, İhsan Doğramacı Bilkent Üniversitesi, Fen Fakültesi, Moleküler Biyoloji Ve Genetik Bölümü, Türkiye 2010 - 2014

Lisans, Hacettepe Üniversitesi, Fen Fakültesi, Biyoloji Bölümü, Türkiye 2005 - 2010

Araştırma Alanları

Tıbbi Biyoloji, Biyoinformatik, Yazılım, Genetik Bozuklukların Moleküler Biyolojisi, Genomiks, Evrim, Populasyon Genetiği, İstatistik

Akademik Unvanlar / Görevler

Dr.Öğr.Üyesi, Hacettepe Üniversitesi, Sağlık Bilimleri Enstitüsü, Biyoinformatik A.B.D., 2022 - Devam Ediyor

Öğretim Görevlisi, Hacettepe Üniversitesi, Sağlık Bilimleri Enstitüsü, Biyoinformatik A.B.D., 2019 - 2022

Araştırmacı, Stockholms Universitet (Stockholm University), Department of Archaeology and Classical Studies, Ancient DNA Laboratory, 2017 - 2018

SCI, SSCI ve AHCI İndekslerine Giren Dergilerde Yayınlanan Makaleler

- I. **The genetic history of Scandinavia from the Roman Iron Age to the present**
Rodríguez-Varela R., Moore K. H., Ebenesersdóttir S. S., KILINÇ G. M., Kjellström A., Pappmehl-Dufay L., Alfsdotter C., Berglund B., Alrawi L., Kashuba N., et al.
Cell, cilt.186, sa.1, ss.32, 2023 (SCI-Expanded)
- II. **A genomic snapshot of demographic and cultural dynamism in Upper Mesopotamia during the Neolithic Transition**
Altınışık N. E., Kazancı D. D., Aydoğan A., Gemici H. C., Erdal Ö. D., Sariatun S., Vural K. B., Koptekin D., Gürün K., Sağlıcan E., et al.
SCIENCE ADVANCES, cilt.8, sa.44, ss.1-17, 2022 (SCI-Expanded)
- III. **Human population dynamics and Yersinia pestis in ancient northeast Asia**
Kilinc G. M., Kashuba N., Koptekin D., Bergfeldt N., Donertas H. M., Rodriguez-Varela R., Shergin D., Ivanov G., Kichigin D., Pestereva K., et al.
SCIENCE ADVANCES, cilt.7, sa.2, 2021 (SCI-Expanded)
- IV. **Corded Ware cultural complexity uncovered using genomic and isotopic analysis from south-eastern Poland**
Linderholm A., KILINÇ G. M., Szczepanek A., Wlodarczak P., Jarosz P., Belka Z., Dopieralska J., Werens K., Gorski J., Mazurek M., et al.
SCIENTIFIC REPORTS, cilt.10, sa.1, 2020 (SCI-Expanded)
- V. **Investigating Holocene human population history in North Asia using ancient mitogenomes**
Kilinc G. M., Kashuba N., Yaka R., Sümer A. P., Yüncü E., Shergin D., Ivanov G. L., Kichigin D., Pestereva K., Volkov D., et al.
Scientific Reports, cilt.8, sa.1, 2018 (SCI-Expanded)
- VI. **Ancient genomes suggest the eastern Pontic-Caspian steppe as the source of western Iron Age nomads**
Krzewinska M., Kilinc G. M., Juras A., Koptekin D., Chylenski M., Nikitin A. G., Shcherbakov N., Shuteleva I., Leonova T., Kraeva L., et al.
SCIENCE ADVANCES, cilt.4, sa.10, 2018 (SCI-Expanded)
- VII. **Genomic and Strontium Isotope Variation Reveal Immigration Patterns in a Viking Age Town**
Krzewinska M., Kjellstrom A., Guenther T., Hedenstierna-Jonson C., Zachrisson T., Omrak A., Yaka R., Kilinc G. M., SOMEL M., Sobrado V., et al.
CURRENT BIOLOGY, cilt.28, sa.17, ss.2730-2748, 2018 (SCI-Expanded)
- VIII. **Population genomics of Mesolithic Scandinavia: Investigating early postglacial migration routes and high-latitude adaptation**
Günther T., Malmström H., Svensson E. M., Omrak A., Sánchez-Quinto F., Kilinc G. M., Krzewińska M., Eriksson G., Fraser M., Edlund H., et al.
PLoS Biology, cilt.16, sa.1, 2018 (SCI-Expanded)
- IX. **Archaeogenomic analysis of the first steps of Neolithization in Anatolia and the Aegean**
Kilinc G. M., Koptekin D., Atakuman Ç., Sumer A. P., Donertas H. M., Yaka R., Bilgin C. C., Büyükkarakaya A. M., Baird D., Altinisik E., et al.
PROCEEDINGS OF THE ROYAL SOCIETY B-BIOLOGICAL SCIENCES, cilt.284, 2017 (SCI-Expanded)
- X. **The Demographic Development of the First Farmers in Anatolia**
Kilinc G. M., Omrak A., Ozer F., Gunther T., BÜYÜKKARAKAYA A. M., Bıçakci E., Baird D., Donertas H. M., Ghalichi A., Yaka R., et al.
CURRENT BIOLOGY, cilt.26, sa.19, ss.2659-2666, 2016 (SCI-Expanded)
- XI. **Early postzygotic mutations contribute to de novo variation in a healthy monozygotic twin pair**
Dal G. M., Ergüner B., Sağıroğlu M. S., Yüksel B., Onat O. E., Alkan C., Özçelik T.
Journal of Medical Genetics, cilt.51, sa.7, ss.455-459, 2014 (SCI-Expanded)

- I. **A Study on Burrows-Wheeler Aligner's Performance Optimization for Ancient DNA Mapping**
Sarmiento C., Guimaraes S., KILINÇ G. M., Gotherstrom A., Pires A. E., Ginja C., Fonseca N. A.
15th International Conference on Practical Applications of Computational Biology and Bioinformatics (PACBB),
Salamanca, Meksika, 6 - 08 Ekim 2021, cilt.325, ss.105-114
- II. **Mobility in Neolithic Central Anatolia: A Comparison of Dental Morphometrics and aDNA**
Pilloud M. A., SOMEL M., Haddow S. D., Knusel C. J., Larsen C. S., Ozbasaran M., ERDAL Ö. D., Baird D., Pearson J.,
Gotherstrom A., et al.
86th Annual Meeting of the American-Association-of-Physical-Anthropologists (AAPA), Louisiana, Amerika Birleşik
Devletleri, 19 - 22 Nisan 2017, cilt.162, ss.316
- III. **Archaeogenomic analysis of ancient Anatolians: first genetic indication for Neolithic cultural
diffusion in the Near East**
SOMEL M., Kilinc G. M., Ozer F., Omrak A., Yaka R., Donertas M., Dagtas N. D., Yuncu E., Koptekin D.,
BÜYÜKKARAKAYA A. M., et al.
85th Annual Meeting of the American-Association-of-Physical-Anthropologists, Georgia, Amerika Birleşik Devletleri,
13 - 16 Nisan 2016, cilt.159, ss.297-298

Desteklenen Projeler

YET İ., KILINÇ G. M., Taç İ., Yükseköğretim Kurumları Destekli Proje, Kompleks hastalıklarla ilişkili genetik varyasyonun zamanseri genom dizileme verilerinde popülasyon genetiği yaklaşımları ile incelenmesi, 2022 - Devam Ediyor

Altınışık N. E., Kılınç G. M., Özer F., Erdal Y. S., Somel M., Yet İ., TÜBİTAK Projesi, Obezite ve Tip 2 Diyabet ile İlişkili Genetik Yapının Anadolu'da Son 10.000 Yıl İçindeki Değişim Dinamiklerinin Antik DNA ve Popülasyon Genetiği Yaklaşımları ile İncelenmesi , 2021 - 2024

ERMAN B., ESENBOĞA S., KILINÇ G. M., ÇAĞDAŞ AYVAZ D. N., TEZCAN F. İ., Yükseköğretim Kurumları Destekli Proje, DOCK8 eksikliği olan hastalarda immün repertuarın belirlenmesi, 2021 - 2022

Metrikler

Yayın: 24
Atıf (WoS): 336
Atıf (Scopus): 359
H-İndeks (WoS): 9
H-İndeks (Scopus): 9

Burslar

EMBO Fellowship, Diğer Uluslararası Organizasyonlar, 2016 - 2016
Full Merit Scholarship, Üniversite, 2010 - 2014